



El banco de ADN recoge 62 muestras del '1000 genomas'

La revista 'Nature' publica hoy los resultados obtenidos en la investigación

REDACCIÓN
SALAMANCA

El Banco Nacional de ADN, ubicado en el Centro de Investigación del Cáncer de la Universidad de Salamanca-CSIC ha recogido y procesado el 7% de las muestras del proyecto *1000 genomas*, una investigación cuyos resultados se darán a conocer hoy en un artículo publicado en la revista *Nature*. Dos de los firmantes de este artículo son investigadores del Centro de Investigación del Cáncer.

El proyecto *1000 genomas* tiene como objetivo "caracterizar en profundidad la variabilidad existente en la secuencia del genoma humano para proporcionar un mapa detallado del genoma que facilitará a los investigadores el estudio de la relación del genotipo con la susceptibilidad al desarrollo de enfermedades". A través de esta tarea, es posible mostrar que "individuos provenientes de diferentes grupos poblacionales tienen diferentes perfiles genéticos en lo que respecta a las variantes genéticas raras y comunes".

Los investigadores que participan en *1000 genomas* han secuenciado el genoma de 1.092 individuos de 14 poblaciones humanas con distintos orígenes geográficos: América (población con ancestros mexicanos de Los Ángeles (EEUU); población colombiana de Medellín; población de Puerto Rico); África (población con ancestros africanos del sudoeste de



Presentación de la campaña de donación *Es algo de ti para todos*.

ICAL

EEUU; población de Luhya en Webuye, Kenya; población Yoruba en Ibadan, Nigeria); Asia Oriental (población japonesa de Tokio; población Han del sur de China; y población Han de Pekín); y Europa (población de la Toscana, Italia; población finlandesa; población de Utah (EEUU) con ancestros del norte y oeste de Europa; población británica de Inglaterra y Escocia; y población española peninsular).

En el proyecto han trabajado casi 400 profesionales procedentes de más de 100 instituciones. El Banco Nacional de ADN, "en colaboración estrecha con 29 centros

regionales de transfusión y bancos de sangre", y gracias a la participación altruista de los propios donantes, ha recogido un total de 62 agrupaciones familiares (padre, madre e hijo adulto) procedentes de "prácticamente todas las comunidades autónomas peninsulares".

Los resultados alcanzados en esta investigación se harán públicos (a través de bases de datos genéticos de referencia de acceso controlado) para que los investigadores de la comunidad científica internacional puedan consultarlos de forma gratuita (www.1000genomes.org). ■