LA OPINION-EL CORREO DE ZAMORA
ZAMORA
01/11/12
Prensa: Diaria
Tirada: 7.776 Ejemplares
Difusión: 6.200 Ejemplares
Cod: 63152740
Página: 33
Sección: SOCIEDAD Valor: 460,00 € Área (cm2): 223,3 Ocupación: 24,21 % Documento: 1/1 Autor: Madrid, Efe Núm. Lectores: 63000

Investigadores publican el primer mapa de mutaciones de ADN que afectan a la salud

El estudio, en el que ha participado la Universidad de Salamanca, ha secuenciado el genoma de 1.092 individuos de 14 poblaciones distintas

Madrid, EFE

Un consorcio internacional de investigadores, con participación española, ha secuenciado el genoma de 1.092 individuos de 14 poblaciones distintas de cuatro continentes, con el objetivo de crear un mapa de alta resolución de las principales mutaciones del ADN que afectan a la salud humana.

Se trata de la primera fase de un proyecto cuyos resultados se publicaban ayer en la revista Nature y que constata que individuos provenientes de diferentes grupos poblacionales tienen diferentes perfiles genéticos en lo que respecta a variantes raras y comunes. Este trabajo supone una presentación global de los primeros resultados y en un futuro se irán publicando otros artículos en los que se ahonde en esas diferencias entre individuos y poblaciones. Lo que sí constata era algo ya sabido, que las poblaciones africanas presentan una variabilidad genética más alta. De entre las poblaciones seleccionadas para el estudio, una de ellas ha sido la española peninsular: 62 agrupaciones familiares.

Los primeros resultados de este mapa -el objetivo es analizar 2.500 individuos de 26 poblaciones- pueden ser consultados gratuitamente por la comunidad científica.

La secuenciación del genoma de estos 1.092 individuos ha sido realizada por 400 profesionales de más de 100 instituciones diferentes agrupadas en el proyecto «1.000 Genomas», entre ellos investigadores de la Universidad de Barcelona (UB) y de Salamanca.

El objetivo de este «ambicioso» proyecto es contribuir a esclarecer cuál es el componente genético de las enfermedades mediante la creación de un mapa genético que recoja el espectro de las variantes genéticas que existen entre los individuos y grupos poblacionales, según una nota de la universidad salmantina. Todos los humanos comparten cerca del 99% del material genético y las diferencias individuales se explicarían por el 1% de ADN restante. Para Marc Via, biólogo de la UB, este mapa permitirá y permite ya ver distintos niveles de variación. Así, se constatan diferencias entre individuos de una misma población, de éstos con personas de poblaciones distintas pero de un mismo continente y entre poblaciones ubicadas en continentes diferenciados, detalló a «Efe» este investigador de la UB.