



El Centro del Cáncer, clave en la descripción mundial de las proteínas

Científicos salmantinos coordinan un potente método de análisis que está siendo utilizado por el consorcio español en su aportación en el proyecto internacional Proteoma Humano

ALEJANDRO SEGALÁS | SALAMANCA

El Centro de Investigación del Cáncer ha acogido días atrás una reunión de trabajo del consorcio español dentro del Proyecto Proteoma Humano, que se propone la caracterización sistemática de todas las proteínas codificadas por los genes descubiertos en el anterior Proyecto Genoma Humano. El objetivo de la reunión era preparar la reunión anual del proyecto, que tiene lugar en Madrid hasta el miércoles, con la presencia de 3.000 investigadores, entre los que están representados todos los grupos del Proyecto Proteoma Humano, según explica a este diario Manuel Fuentes, el coordinador de la aportación del CIC Salamanca a este importante proyecto internacional.

En concreto, el papel del centro salmantino, desde el punto de vista de Fuentes, es "muy importante". "Tenemos una metodología puntera que nos permite analizar cientos de proteínas en



Manuel Fuentes, en su laboratorio del Centro del Cáncer. | ARCHIVO

muy poco espacio por lo que podemos disponer de una gran cantidad de información con muy pocas muestras". Este ámbito se conoce en términos específicos como el campo de los arrays de proteínas, dispositivos que per-

miten estudiar las proteínas de forma masiva. Para un proyecto de esta envergadura tener esta herramienta es muy importante, recuerda Fuentes, mientras que insiste en que se les ha encomendado esta misión gracias al equi-

pamiento y a la competitividad del grupo investigador del centro en este campo que se ha ido labrando los últimos años.

El Proyecto Proteoma Humano arrancó en septiembre de 2010 y ya ha dado los primeros resultados con varias publicaciones científicas con los primeros borradores, pero todavía queda mucho por avanzar y el horizonte que se marcan es llegar a tener finalizado el proyecto en el año 2020.

"En lo que nos estamos centrando en la actualidad es en poner en común metodología y criterios similares para que los descubrimientos que haga un grupo sean aplicables a toda la red que forma este gran proyecto", sostiene el científico del Centro de Investigación del Cáncer, que añade que las sensaciones son buenas de cara al futuro.

Este proyecto puede ser determinante para el tratamiento y curación de numerosas enfermedades.

LOS DETALLES

Cada año la reunión en un Continente

La reunión del Proyecto Proteoma Humano desde 2010 se realiza todos los años con la peculiaridad que cada vez salta de un continente a otro. Desde este modo, ya se ha celebrado en Sydney (Australia), Ginebra (Suiza), Boston (Estados Unidos) y Tokio (Japón). Este año será en Madrid y el próximo en Canadá.

Objetivo de la proteómica

La proteómica es todavía una disciplina joven; su nacimiento se sitúa a finales de los años 90, pero tiene un futuro muy prometedor al analizar sistemas biológicos con una eficacia sin precedentes y que posibilita el descubrimiento de biomarcadores de utilidad en diagnóstico y pronóstico de enfermedades así como de dianas para el desarrollo de nuevos fármacos.

25 consorcios internacionales

Hay 25 consorcios internacionales que forman parte de la organización del proteoma humano. El consorcio español se dedica a estudiar el proteoma asociado al cromosoma 16 y además investiga en cinco áreas temáticas relacionadas con el estudio de la enfermedad humana: obesidad e hígado, enfermedades infecciosas, cáncer, enfermedades cardiovasculares y enfermedades reumáticas.