



Descubren nuevas metodologías para el diagnóstico de la osteoartritis

El equipo de Manuel Fuentes, miembro del Centro de Investigación del Cáncer, aborda en su estudio la enfermedad reumática más frecuente

REDACCIÓN / WORD

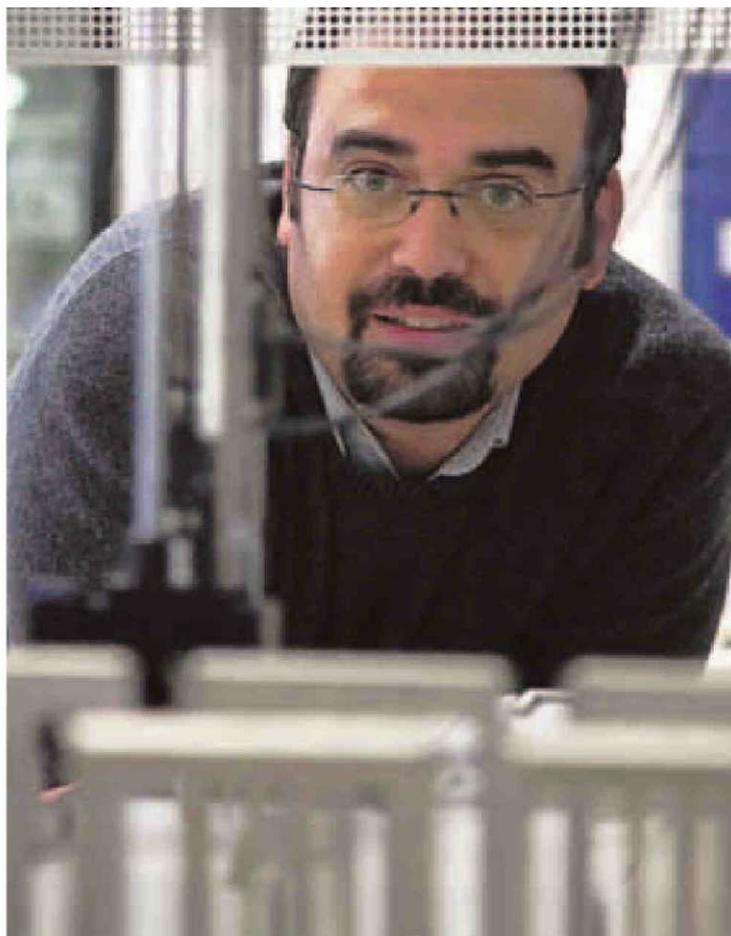
SALAMANCA. El científico del Centro de Investigación del Cáncer (CIC) Manuel Fuentes ha dirigido un trabajo para hallar nuevas metodologías de técnicas proteómicas con las que caracterizar biomarcadores diagnósticos de la osteoartritis, que es la enfermedad reumática más común y una de las más incapacitantes, según informaron ayer fuentes del centro.

El estudio publicado por el grupo de Fuentes se ha basado en el manejo de dos herramientas de la proteómica, y por una parte, se ha empleado microarrays específicos (los denominados antibody arrays) con el objetivo de detectar antígenos, responsables de la formación de anticuer-

pos de la enfermedad. Por la otra, detallaron que se ha empleado la tecnología NAPPA (Nucleic Acid Programmable Protein Arrays) que permite la expresión de miles de proteínas humanas.

Mediante estas dos herramientas, se ha perseguido caracterizar perfiles de auto-anticuerpos (anticuerpo que actúa contra uno o más antígenos del propio individuo) de sesenta y dos muestras de pacientes con osteoartritis, artritis reumatoide y muestras de control, de personas sanas. En concreto, explicaron que se ha trabajado con tres mil ochocientos cuarenta fragmentos de proteínas y se han seleccionado para su validación a trescientos setenta y tres antígenos, que pueden ser los responsables de la formación de anticuerpos de la enfermedad.

Mediante el abordaje de NAPPA han sido preseleccionadas 80 proteínas. El auto-anticuerpo dirigido al gen CHST14 ha sido validado en el mismo conjunto de pacientes y aseguraron que este trabajo demuestra



Manuel Fuentes pertenece al Centro de Investigación del Cáncer. :: ICAI

que la metodología empleada en la investigación que combina las dos técnicas de la proteómica expuestas es útil para caracterizar los patrones de auto-anticuerpos específicos de la enfermedad. Fuentes participó re-

cientemente en otro de los trabajos de proteómica a partir del proyecto ENCODE, con un consorcio internacional integrado por investigadores de EE UU, Suecia, Holanda, Alemania, Corea del Sur y Australia.