DIARIO DE AVILA
AVILA

24/02/15

Prensa: Diaria
Tirada: 2.989 Ejemplares
Difusión: 2.673 Ejemplares

Cód: 90460407

Página: 27

Sección: REGIONAL Valor: 828,00 € Área (cm2): 415,9 Ocupación: 43,14 % Documento: 1/1 Autor: SPC / VALLADOLID Núm. Lectores: 15000

Investigadores de Salamanca y de EEUU definen el patrón genético de un cáncer sin cura

El descubrimiento, realizado mediante el análisis filogenético de biopsias tumorales, permitirá desarrollar nuevas dianas terapéuticas

• El linfoma folicular es un tumor incurable con los tratamientos convencionales que tiene una evolución clínica caracterizada por las recaídas tras la terapia.

Isidro Sánchez, uno de los investigadores del Centro del Cáncer de Salamanca. / ICAL

SPC / VALLADOLID

Investigadores de la Universidad de Stanford, de la Universidad de Nebraska (EEUU) y del Centro de Investigación del Cáncer e Instituto de Biología Molecular y Celular del Cáncer (IBMCC), en Salamanca, han logrado definir pormenorizadamente el patrón genético del linfoma folicular, un tipo de cáncer incurable, y su evolución, mediante el análisis filogenético de una serie de biopsias tumorales, según informaron fuentes de la investigación y que recoge la Agencia Ical.

El trabajo, que se titula 'Crebbp mutations in folicular progenitors', será publicado en el próximo número de Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America (PNAS) y supone un avance «muy relevante», porque la descripción de los mecanismos patológicos que explican el desarrollo de cualquier linfoma representa un «gran reto» para la investigación.

La dificultad radica en la enorme complejidad del sistema linfoide, por su localización en el cuerpo y por la implicación en el mismo, tanto por un gran número de líneas celulares como de mecanismos moleculares.

AVANCE. El linfoma folicular es uno de los más de veinte Linfomas no hodgkinianos y es un cáncer incurable con los tratamientos convencionales que tiene una evolución clínica caracterizada por recaídas tras la terapia. Desde el punto de vista genético, se caracteriza por la translocación del protooncogén BCL2 y genes implicados en la modificación de la cromatina. Los científicos firmantes del artículo han logrado identificar en el 96 por ciento de los tumores de linfoma folicular genes mutados, y confirmado en el 76 por ciento dos o más genes modificadores de cromatina, mediante el análisis de células tumorales aisladas (purificadas). Además, han definido la jerarquía de las mutaciones somáticas aparecidas durante la evolución del linfoma folicular, mediante el análisis de biopsias de veintidós pacientes. Entre todos los genes mutados analizados en la investigación, destaca el gen Crebbp por varios motivos. Por una parte, la mutación de Crebbp es temprana y contribuye a evitar la vigilancia inmunológica. El desarrollo de un cáncer no sólo implica cambios en elcrecimiento incontrolado de determinadas células, sino que también implica que las células cancerígenas no sean reconocidas por el sistema inmunológico.

Por consiguiente, manifestaron que Crebbp permite explicar el mecanismo de evolución del linfoma folicular y además puede ser una «buena diana terapéutica» para el desarrollo de nuevos fármacos.