



Investigadores de Salamanca definen el patrón genético del linfoma folicular

El hallazgo, en el que colaboran científicos de EE UU, abre la puerta a nuevos fármacos contra este cáncer incurable

Salamanca, Ical

Investigadores del Centro de Investigación del Cáncer e Instituto de Biología Molecular y Celular del Cáncer (IBMCC), en Salamanca, y de la Universidad de Stanford, de la Universidad de Nebraska (EE UU) han logrado definir pormenorizadamente el patrón genético del linfoma folicular, un tipo de cáncer incurable, y su evolución, mediante el análisis filogenético de una serie de biopsias tumorales, según informaron ayer fuentes de la investigación.

El trabajo se titula «CREBBP mutations in follicular progenitors», será publicado en el próximo número de «Proceedings of the National Academy of Sciences of

the United States of America (PNAS)» y supone un avance «muy relevante», porque la descripción de los mecanismos patológicos que explican el desarrollo de cualquier linfoma representa un «gran reto» para la investigación.

La dificultad radica en la enorme complejidad del sistema linfoides, por su localización en el cuerpo y por la implicación en el mismo tanto un gran número de líneas celulares como de mecanismos moleculares. El linfoma folicular es uno de los más de veinte Linfomas no hodgkinianos y es un cáncer incurable con los tratamientos convencionales que tiene una evolución clínica caracterizada por recaídas tras la terapia. Desde el pun-

to de vista genético, se caracteriza por la translocación del protooncogén BCL2 y genes implicados en la modificación de la cromatina. Los científicos firmantes del artículo han logrado identificar en el 96 por ciento de los tumores de linfoma folicular genes mutados, y confirmado en el 76 por ciento dos o más genes modificadores de cromatina, mediante el análisis de células tumorales aisladas (purificadas). El desarrollo de un cáncer no sólo implica cambios en el crecimiento incontrolado de determinadas células, sino que también implica que las células cancerígenas no sean reconocidas por el sistema inmunológico.

Por consiguiente, manifestaron



Isidro Sánchez García. | FOTO ICAL

que CREBBP permite explicar el mecanismo de evolución del linfoma folicular y además puede ser una «buena diana terapéutica» para el desarrollo de nuevos fármacos.