



V. SAN JOSÉ- Salamanca

La Universidad de Salamanca cuenta con un nuevo sistema de alta capacidad para el análisis de la variabilidad genética en células únicas que permite analizar a nivel celular la estructura genética de los tumores.

Así lo dio a conocer el vicerrector de Investigación y Transferencia de la Usal, Juan Manuel Corchado, quien destacó que esta plataforma convierte al servicio de investigación Nucleus en «líder a nivel regional» con un sistema único en Castilla y León.

## Salamanca se sitúa a la cabeza de España en el análisis genético de tumores

«Se trata de una infraestructura que hace frente a la solicitud de demanda y análisis que tenía la Universidad de Salamanca y que en pocas semanas de funcionamiento ha duplicado el volumen de trabajo del servicio con respecto al que se tenía con herramientas anteriores», destacó Corchado, que estuvo acompañado durante la presentación por la directora

del Servicio Nucleus, Julia Almeida, el responsable del Área de Caracterización Biomolecular, Imagen y Bioinformática del servicio, Alberto Orfao, y por la responsable técnica del sistema, María Jara.

El sistema incorporado al Servicio de Secuenciación de ADN de Nucleus, que estará ubicado en el edificio I+D+i de la Usal, tuvo un

coste total de 430.355 euros, de los que el 80 por ciento fueron financiados por el Ministerio de Economía y Competitividad con fondos Feder en el marco de concesión de ayudas para la adquisición de equipamiento científico-teórico a las universidades. La Universidad aporta el montante restante hasta llegar a la cantidad total y así ser un centro puntero en España.



Juan Manuel Corchado

David Arranz/lcat