



Una investigadora del CIC publica avances en la modificación de células tumorales

El trabajo de Sandra Blanco puede mejorar la comprensión de la regulación de varios procesos celulares y fisiológicos

:: REDACCIÓN / WORD

SALAMANCA. La investigadora principal Sandra Blanco, del Centro de Investigación del Cáncer (CIC-IBMCC) de Salamanca, ha publicado el artículo 'Post-transcriptional regulation by cytosine-5 methylation of RNA', un trabajo que puede mejorar la comprensión de la regu-

lación de varios procesos celulares y fisiológicos como puede ser el desarrollo, la diferenciación y la supervivencia a estímulos de estrés.

Además, pueden facilitar la comprensión de procesos patológicos que van desde síndromes neurológicos hasta el cáncer, ha reseñado el Centro de Investigación del Cáncer.

El artículo de revisión de Sandra Blanco lleva a cabo un análisis de los últimos avances en el conocimiento del papel fisiopatológico de la metilación citosina-5 (m5C) de ARN así como la eficacia de las técnicas disponibles para analizar su distribución en el transcriptoma.

En él concluye que «se requiere

mejorar las técnicas actuales de detección, así como aumentar el número de estudios de detección de m5C en ARN».

La mejora puede venir con el uso complementario de las nuevas técnicas basadas en la espectrometría de masas o secuenciación masiva y, además, requerirá el desarrollo de herramientas robustas de análisis de datos, ha apuntado el CIC.

Por otra parte, el texto apunta a la necesidad de emplear nuevos modelos y organismos modificados genéticamente para comprender la función biológica de esta modificación posttranscripcional. Según la documentación aportada, gracias al



La investigadora, en el laboratorio. :: WORD

surgimiento de nuevas tecnologías de secuenciación de alto rendimiento y el uso de métodos de detección de modificaciones de ARN, es posible la detección de modificaciones de ARN a una resolución de un solo

nucleótido, por tanto, «se está consiguiendo la resolución de las piezas básicas que regulan la función del ARN y ADN y una visión más completa de las vías de regulación postranscripcional de los genes».